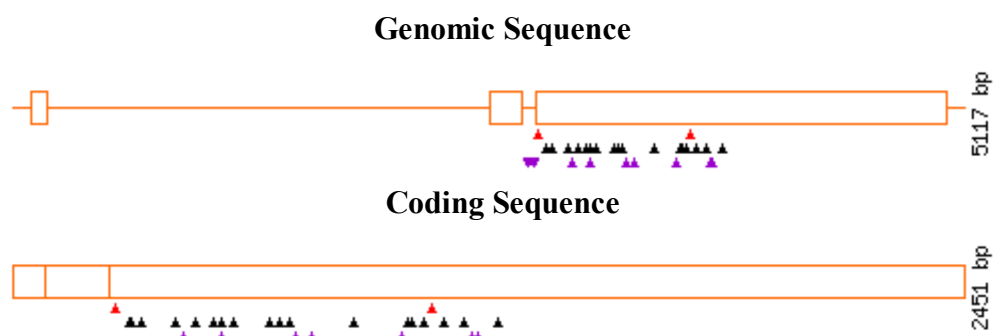


TLR4b



For help interpreting these results, view the [PARSENP Introduction](#) page.

#	View On Sequence	Nucleotide Change	Effect	Restriction Enzyme Differences from REBASE		Description	Zygoty
				Gained in Variant	Lost from Reference		
1	G	A2768T	Intron		AhaIII , MseI	3868fh	Homo
2	G	A2768T	Intron		AhaIII , MseI	7845fh	Homo
3	G	A2798C	Intron			5801fh	Homo
4	G	G2800T	Intron			6965fh	Homo
5	G C	C2828T	Q88*			8708fh	Homo
6	G C	G2866T	L100F			6138fh	Homo
7	G C	A2870C	T102P	SfaNI		8484fh	Homo
8	G C	C2898T	T111I			5796fh	Homo
9	G C	C2984G	Q140E			2580fh	Homo
10	G C	G3004A	K146=		AluI , CviJI	8669fh	Homo
11	G C	C3038A	Q158K		BsrI , FokI	1204fh	Homo
12	G C	T3081G	F172C	CviRI , NspBII , PstI , SfeI	Eco57I , Eco57MI	3910fh	Homo
13	G C	C3103T	A179=			8656fh	Homo
14	G C	A3105T	N180I	MseI , VspI		8146fh	Homo
15	G C	A3132G	H189R			8264fh	Homo
16	G C	T3228A	I221N	BsaBI		6732fh	Homo
17	G C	C3255T	A230V	BbvII , MboII	BbvI , Fnu4HI , TseI	1218fh	Homo
18	G C	A3280T	K238N			8370fh	Homo
19	G C	T3295G	A243=	Eco47III , HaeII , HhaI	AluI , CviJI	365fh	Homo
20	G C	C3337T	Y257=		MaeIII	8583fh	Homo
21	G C	A3446C	M294L	BsgI		198fh	Homo

22	G C	T3566C	L334=			7461fh	Homo
23	G C	A3584T	I340F			5486fh	Homo
24	G C	T3594G	I343S	Tsp4CI		3723fh	Homo
25	G C	A3623G	S353G	AsuI , AvaII , DraII , NlaIV , PpuMI , SanDI	HinfI , Ksp632I , MboII , PleI	2629fh	Homo
26	G C	G3647T	G361*	Bce83I , SmlI	BsrI , Eco57MI , GsuI , TspRI	8643fh	Homo
27	G C	T3674A	Y370N			564fh	Homo
28	G C	C3725T	L387F			345fh	Homo
29	G C	T3748C	I394=	TstI	SspI	1651fh	Homo
30	G C	T3763C	L399=	BseMII		8568fh	Homo
31	G C	T3816C	L417S	BcgI , HinfI , PleI		6462fh	Homo

[Download Tab-Separated table](#)

No [protein homology model](#) was submitted. You may add one using any or all of the fields below.

Blocks Families:

Blocks File:

Sequence Alignment:

-OR-

Genomic Sequence

```

gtaaatttgatattgaatttgctgacaattttgttttgttttttaacgttaagtttaccatataatcttaac 0
                                                                                               72

                M   S   N   G   E   R   M   I   F   L   S
ttaagtaagataattttgaacaatgatc atg tca aat ggg gaa cgg atg att ttc cta agt 11
                                                                                               133

S   I   F   I   L   V   N   A   G   Q   G   Q   E   C   T   E
tca atc ttt att ctt gtg aat gct gga caa gga cag gaa tgt acc gag gtaagaac 27
                                                                                               189

attacatagattgtattgttaatgtaatttactgataggttctacagaatatatgggtctgttaatgtgagcc 27
                                                                                               261

taagaatcaatattgtaggatacagtatacagtataattattatactatgtttatcagtaaatctaagttttt 27
                                                                                               333
    
```

tgtgataaatttgactttcatagttctgtttaaacaatattttataataaatgttatcatagaatataattcat	27 405
aggtagtttttaaattaaataaaattttgagtagttcacatgacaccttttcaactaaattcagaagat	27 477
gtttttgtgagttttggctattcatttatttagacaacaatgtattttagtgcctgaaaggcctatatttataa	27 549
gcgtgattttatgaaagtgttgacataagcctgtgcgtaatacaactccaaatcagaaaagggtggggcagt	27 621
taggaaaatgcatataaaaaacaaaaggaagagttttttaaattttacttcgactgtttactttgcaaacaat	27 693
aaaacaaacattattttaatgtgttcctcatgattgtgtgggtttttgttttaaatacatgcatcccaatct	27 765
tggttcttgctacatatttaaaaaaagttgtaactgtaaagcatttaccactttgtaatgttgccataggt	27 837
gacgcagtgggcgcagtgggtagtgctgtcacctcacagcaagaaggctactgggttcgagccttggtcagtt	27 909
ggcgttgagtgaggtggcggttggtgtggagtttgcatgttctccctgcgttcttggtgggtttcctccgtgtg	27 981
ctccggttccccacagtccaaagacatgtggtacaggtgaattgggtaggctaaattgtctgtagtgatg	27 1053
agtgtgaatgagcatgtatggatgctcccagagatgggttgcggttagataagttggcggttcattccgctg	27 1125
tggcgaccccagattaataaaagggacttagccgaaaaggaaatgaatgaataatgttgccattccttttcat	27 1197
atcacttaaaagatgtttagggactgaagacaccaagtgatgaagtgtaattttgtcccattcttcctgcaa	27 1269
acaagtcttaaggtgggcaacagtgcggggtcttcggtgttgcatTTTTTACGCTTCAAAGTGTTCCACCTA	27 1341
ttctgtattggagagaggtttgggactgcagacaggccagtcattacctgtttcctcttccttcacagccag	27 1413
gactttgcaatgtgtgcagaatgtggtccttgcatgtcttattgaaatatgcataggtatccctggaaaaga	27 1485

acgcagcatattgtgctccaaaatatctatgtacttttcagcattttatgggtttatcacagaagtgcaagt	27 1557
tagtttgccaaaagcactgacagaattccataccatgacagaccctggctttcggccttgttgctggtaaca	27 1629
gtctgcaagatccttttcttgtttgggtccggagcacacaacgtccatttctcacaaaaatgcctgaaaaact	27 1701
gattcacctgaccacagtacttgtttccactctcttatgggtccagatgacccgagccaagagaagtgcgacag	27 1773
cccttctagaaaactgttaacatagggcttcccttttggcacagtacagtttccactggcatttgtggatgtaa	27 1845
ccacgtattgtgggtacttgacaaaagggtttaccaaagtagtcctgagcccatgtggtaaatattgcttttaaat	27 1917
gaatgccgattccttgacgcagtgatgcctgagggattcgagatcgcggttgttcagcttaggccttttgcctt	27 1989
tatcctttatgactgaaattcctccagactccttgaatcttttaattatgggtatgactattgaaggtgaa	27 2061
atatctaaatgtcttccaatctttctttaaggaacattgggttttaagggtttcaataattttctcacatatt	27 2133
tgttggcaaactgacaatcctcagcccatcttagctcctaaagtactagacctttcttggtatgctgcttttg	27 2205
taacaaatcataatttcaatgacctgttaacatgacctgtttcaaactcgcttaaacattgacctgattgct	27 2277
agccctaaattgcacttgtcccaacttttttggttatatgttgcaggtctgaatgacaggaaaggatgtatat	27 2349
ttacaagtgaaataaagttgaccagaacaaacattaagtattttgtgttcatattgtctgcaatgaaaaaca	27 2421
ggttaaagtaaatttaaaaaatcgctactttctttttttatgttgcgttttcaatactgtctcaactttttct	27 2493
gatttaggggttgatactataatgtatatgcaaatataaaatattgtaaacatgtccttggtcctttaatag	L 28 c 2565
I K N K E Y S C S G R N L T C I P tg ata aag aat aag gaa tat tca tgt tct gga agg aat ctg act tgt att cct	45 2618
G S L P F S V A S L D F S F N F L T	63

M D E K I K V S V P D Y L E G L C S	276
atg gac gaa aaa atc aaa gtg tca gtt cca gat tat ctt gaa ggt cta tgt tca	3394
I N F N E I Y L V Q K E W S D S E M	294
att aat ttt aac gaa att tat ctt gtt caa aaa gaa tgg tct gac tca gaa atg	3448
	cM294L[21]
H L F R C M V N A T K I T I K K A Y	312
cac ttg ttt cgt tgt atg gtc aat gca aca aaa atc aca ata aaa aaa gca tat	3502
M N S M K H I P F H R L K E L Y L S	330
atg aac agt atg aaa cat att cca ttc cac cgt ctt aag gaa ctg tat tta agt	3556
D T G L S V V P F I S H I P S L E K	348
gac act gga tta tct gtt gta cca ttt att tca cac att cca agc ttg gaa aaa	3610
	cL334=[22] tI340F[23] gI343S[24]
L V M K S P F P I T F T G V S D L P	366
ctg gtg atg aag agt ccc ttt cct att acc ttc act gga gtc agt gac ctt ccc	3664
	gS353G[25] tG361*[26]
L L Q Y V D L S G N M L I L H E C C	384
ctg ctt caa tat gta gac ttg agt gga aac atg ttg att ttg cat gaa tgc tgt	3718
	aY370N[27]
S I L F P R T P N I Q Y L N L S Q N	402
tcc att ctt ttt cca agg aca cca aat att caa tac ttg aat ctt agt caa aac	3772
	tL387F[28] cI394=[29] cL399=[30]
S E I T F V N E P F S A L D L L E V	420
tca gaa ata aca ttt gtt aat gag cca ttt tct gca ctt gac ttg ctt gaa gtg	3826
	cL417S[31]
L D F H H T K L V I V F Y F G F F K	438
ttg gac ttc cac cat aca aaa cta gtc ata gtt ttt tac ttt gga ttc ttc aaa	3880
H L R N L K Y L D I S Y T R V H F N	456
cat ctg aga aat tta aag tat ttg gat att tct tat aca cgt gtt cat ttc aat	3934
T L T F Q D L H N L T V L K M A G N	474
acc ttg act ttt cag gac ctg cat aat ttg act gtt ctt aaa atg gca gga aac	3988
S F S G D K L S Y F L Q N L T S L E	492
agt ttt agt gga gat aaa ttg agt tac ttc tta caa aac cta aca agc ttg gag	4042
V L D I S Q C G I E K V S M R S F T	510
gtt ctt gac att tca cag tgt ggc att gag aaa gtc tcc atg aga tct ttt act	4096
G T Q K L R H L Y L S R N K L M V L	528
ggc acg cag aaa cta cga cat tta tat tta agt cga aac aaa ttg atg gtt ttg	4150

D F L T Q P E L T H L T S V Y I D K	546
gac ttt tta act caa cca gag ctg aca cat ctt aca tca gtg tat att gat aaa	4204
N S I T T I P L D V L Q K L P M N L	564
aac agt ata acc acc atc cca ctt gat gtt cta caa aag ttg ccc atg aac ctt	4258
S E F D L S S N S I D C S C S Q T D	582
tct gag ttt gat ttg tcc tct aac tcc atc gat tgc tcc tgc tct cag act gat	4312
F I L W I I Q K Q N I L K Q L E N I	600
ttt att ttg tgg att att caa aaa caa aac att tta aaa caa ctg gaa aac att	4366
R C K T F S A N T D F K A I D F D I	618
cgg tgt aaa act ttt tct gca aat aca gat ttc aaa gca ata gac ttt gac att	4420
D Y C V H K K R L T I V L S V I C V	636
gac tac tgt gtg cac aag aaa aga ctc aca att gtt tta tca gta att tgt gtt	4474
T F V V V L A I L L Y K F W F Y V Q	654
acg ttt gta gtt gtg tta gca att ttg ctt tat aaa ttc tgg ttc tat gtt cag	4528
Y C F I L F S G Y R S P G Q Q E C S	672
tat tgt ttt att tta ttc agt ggc tac aga tca cct gga cag caa gaa tgt tct	4582
Y D A F V I F S S Y D E A W V M N E	690
tat gac gca ttt gtg att ttc tcc agc tat gat gaa gct tgg gtc atg aat gaa	4636
L M E N L E N G V P P I Q L C L H M	708
ctt atg gag aat ctg gag aac ggt gtg cca cct att cag ctt tgc ctt cac atg	4690
R D F Q A G K S I A S N I I D E G I	726
cgg gac ttt caa gcc ggg aag tca atc gcc tcc aac att ata gat gaa gga ata	4744
M G S R K I I V V V S Q H F I D S S	744
atg ggc agc cgt aag atc att gtg gtt gtg tct caa cac ttc att gat agt tcc	4798
W C R F E F E L A Q S R F L M E R N	762
tgg tgt cgc ttt gag ttt gaa tta gct cag tct cgg ttt ttg atg gaa cgc aat	4852
A N I I I I I L E D V A E R K T K K	780
gcc aat atc atc atc att att ctg gaa gat gtg gcg gag aga aaa acc aag aaa	4906
V F G L H K H L K K N T Y L K W S R	798
gtg ttt ggt cta cat aag cat ctg aag aag aac aca tac ctg aag tgg agc aga	4960
D P L S N M R F W I R L R K A I L Q	816
gac cct ttg agc aac atg aga ttc tgg ata cga ctc agg aaa gca att tta cag	5014

K 817
 aaa taatcaatgcactaaacatgTTTTTTTTTTTTTTTaaactgaatgtaatttgggtcaaataaaacaatgca 5085

817
 ttgcacattcttcacatgacaatctctctaat 5117

Coding Sequence

M S N G E R M I F L S S I F I L V N 18
 atg tca aat ggg gaa cgg atg att ttc cta agt tca atc ttt att ctt gtg aat 54

A G Q G Q E C T E | L I K N K E Y S 35
 gct gga caa gga cag gaa tgt acc gag | ctg ata aag aat aag gaa tat tca 105

C S G R N L T C I P G S L P F S V A 53
 tgt tct gga agg aat ctg act tgt att cct ggt agt ctt ccc ttc tct gtg gca 159

S L D F S F N F L T S L H K R V F P 71
 tct ctg gat ttc agt ttc aat ttc ttg acc tca tta cat aag cgt gta ttt cct 213

V M L N L Q L L D L T R | C Y I R Q 88
 gtg atg ttg aat tta caa ctc ctg gat ctc aca ag | a tgc tac atc aga cag 264
tQ88* [5]

I E K D A F Y N V K N L M T L I L T 106
 att gaa aaa gat gct ttc tac aat gtg aaa aat ttg atg aca ttg att ctt act 318
 tL100F[6]
 cT102P[7]

G N P I T Y L A P E C L N S L Y K L 124
 gga aac cct ata aca tat tta gca cct gaa tgc ttg aat tct tta tac aag ctg 372
 tT111I[8]

Q R L V L V D V R L E S L Q L Q I N 142
 caa aga cta gtt ctt gtg gat gtt cgt ctt gaa tcc tta caa ctt caa att aat 426
 gQ140E[9]

N L T K L Q D L K V G T N C I Q S M 160
 aac ctt acc aag cta cag gac ctt aaa gtc gga aca aat tgc atc cag tcc atg 480
 aK146=[10] aQ158K[11]

T L P S F M S T F K D F S L L D L H 178
 act ctt cct tca ttc atg agc acc ttc aaa gac ttc agt tta ctt gat cta cat 534
 gF172C[12]

A N N I S I I R M D H T A V L R E I 196
 gcc aat aat ata tcc atc atc aga atg gat cac act gct gtg ttg cga gag att 588
 tA179=[13] gH189R[15]
 tN180I[14]

G R N M T L I L S R N P L I H I E P	214
gga aga aat atg acg ttg att ctg tct agg aat cca tta ata cac att gaa cca	642
G A F K D V I L R E L H L L A A F I	232
gga gct ttc aag gat gtc att ctc aga gag ctt cat ctg cta gct gcc ttc att	696
	aI221N[16] tA230V[17]
S F N A Q K E C H K A L T G L T V D	250
tcg ttt aat gca caa aaa gag tgt cac aaa gct ctc act ggc ctc acc gtg gat	750
	tK238N[18] gA243=[19]
K L F V G R Y R M D E K I K V S V P	268
aag ttg ttt gtg gga cgt tac aga atg gac gaa aaa atc aaa gtg tca gtt cca	804
	tY257=[20]
D Y L E G L C S I N F N E I Y L V Q	286
gat tat ctt gaa ggt cta tgt tca att aat ttt aac gaa att tat ctt gtt caa	858
K E W S D S E M H L F R C M V N A T	304
aaa gaa tgg tct gac tca gaa atg cac ttg ttt cgt tgt atg gtc aat gca aca	912
	cM294L[21]
K I T I K K A Y M N S M K H I P F H	322
aaa atc aca ata aaa aaa gca tat atg aac agt atg aaa cat att cca ttc cac	966
R L K E L Y L S D T G L S V V P F I	340
cgt ctt aag gaa ctg tat tta agt gac act gga tta tct gtt gta cca ttt att	1020
	cL334=[22] tI340F[23]
S H I P S L E K L V M K S P F P I T	358
tca cac att cca agc ttg gaa aaa ctg gtg atg aag agt ccc ttt cct att acc	1074
	gI343S[24] gS353G[25]
F T G V S D L P L L Q Y V D L S G N	376
ttc act gga gtc agt gac ctt ccc ctg ctt caa tat gta gac ttg agt gga aac	1128
	tG361*[26] aY370N[27]
M L I L H E C C S I L F P R T P N I	394
atg ttg att ttg cat gaa tgc tgt tcc att ctt ttt cca agg aca cca aat att	1182
	tL387F[28] cI394=[29]
Q Y L N L S Q N S E I T F V N E P F	412
caa tac ttg aat ctt agt caa aac tca gaa ata aca ttt gtt aat gag cca ttt	1236
	cL399=[30]
S A L D L L E V L D F H H T K L V I	430
tct gca ctt gac ttg ctt gaa gtg ttg gac ttc cac cat aca aaa cta gtc ata	1290
	cL417S[31]
V F Y F G F F K H L R N L K Y L D I	448
gtt ttt tac ttt gga ttc ttc aaa cat ctg aga aat tta aag tat ttg gat att	1344

S Y T R V H F N T L T F Q D L H N L	466
tct tat aca cgt gtt cat ttc aat acc ttg act ttt cag gac ctg cat aat ttg	1398
T V L K M A G N S F S G D K L S Y F	484
act gtt ctt aaa atg gca gga aac agt ttt agt gga gat aaa ttg agt tac ttc	1452
L Q N L T S L E V L D I S Q C G I E	502
tta caa aac cta aca agc ttg gag gtt ctt gac att tca cag tgt ggc att gag	1506
K V S M R S F T G T Q K L R H L Y L	520
aaa gtc tcc atg aga tct ttt act ggc acg cag aaa cta cga cat tta tat tta	1560
S R N K L M V L D F L T Q P E L T H	538
agt cga aac aaa ttg atg gtt ttg gac ttt tta act caa cca gag ctg aca cat	1614
L T S V Y I D K N S I T T I P L D V	556
ctt aca tca gtg tat att gat aaa aac agt ata acc acc atc cca ctt gat gtt	1668
L Q K L P M N L S E F D L S S N S I	574
cta caa aag ttg ccc atg aac ctt tct gag ttt gat ttg tcc tct aac tcc atc	1722
D C S C S Q T D F I L W I I Q K Q N	592
gat tgc tcc tgc tct cag act gat ttt att ttg tgg att att caa aaa caa aac	1776
I L K Q L E N I R C K T F S A N T D	610
att tta aaa caa ctg gaa aac att cgg tgt aaa act ttt tct gca aat aca gat	1830
F K A I D F D I D Y C V H K K R L T	628
ttc aaa gca ata gac ttt gac att gac tac tgt gtg cac aag aaa aga ctc aca	1884
I V L S V I C V T F V V V L A I L L	646
att gtt tta tca gta att tgt gtt acg ttt gta gtt gtg tta gca att ttg ctt	1938
Y K F W F Y V Q Y C F I L F S G Y R	664
tat aaa ttc tgg ttc tat gtt cag tat tgt ttt att tta ttc agt ggc tac aga	1992
S P G Q Q E C S Y D A F V I F S S Y	682
tca cct gga cag caa gaa tgt tct tat gac gca ttt gtg att ttc tcc agc tat	2046
D E A W V M N E L M E N L E N G V P	700
gat gaa gct tgg gtc atg aat gaa ctt atg gag aat ctg gag aac ggt gtg cca	2100
P I Q L C L H M R D F Q A G K S I A	718
cct att cag ctt tgc ctt cac atg cgg gac ttt caa gcc ggg aag tca atc gcc	2154
S N I I D E G I M G S R K I I V V V	736
tcc aac att ata gat gaa gga ata atg ggc agc cgt aag atc att gtg gtt gtg	2208

S	Q	H	F	I	D	S	S	W	C	R	F	E	F	E	L	A	Q	754
tct	caa	cac	ttc	att	gat	agt	tcc	tgg	tgt	cgc	ttt	gag	ttt	gaa	tta	gct	cag	2262
S	R	F	L	M	E	R	N	A	N	I	I	I	I	I	L	E	D	772
tct	cgg	ttt	ttg	atg	gaa	cgc	aat	gcc	aat	atc	atc	atc	att	att	ctg	gaa	gat	2316
V	A	E	R	K	T	K	K	V	F	G	L	H	K	H	L	K	K	790
gtg	gcg	gag	aga	aaa	acc	aag	aaa	gtg	ttt	ggt	cta	cat	aag	cat	ctg	aag	aag	2370
N	T	Y	L	K	W	S	R	D	P	L	S	N	M	R	F	W	I	808
aac	aca	tac	ctg	aag	tgg	agc	aga	gac	cct	ttg	agc	aac	atg	aga	ttc	tgg	ata	2424
R	L	R	K	A	I	L	Q	K										817
cga	ctc	agg	aaa	gca	att	tta	cag	aaa										2451